

Supplemental File S1. Transcript sequences of analysed genes from *F. robusta* or *F. pringlei* and *F. bidentis*.

The primer sequences used for qRT-PCR are marked yellow.

>ACTIN_pringlei

TTCCGCAATTGCATCTCACCCCTCACACAACCCCAAATTTCTAGGTTTTCTCAGTTAGCTTAAGATG
GCAGACGGCGAGGATATTCAACCACTTGTCTGTGATAATGGAACGGGAATGGTTAAGGCTGGGTTCGC
TGGTGATGATGCACCACGAGCTGTTTTTCCAAGTATTGTGGGTCGTCCCGTCACACTGGTGTGATGG
TTGGAATGGGCCAAAAGGATGCATATGTTGGTGACGAGGCTCAATCCAAAAGAGGTATATTGACACTG
AAATACCCGATAGAACATGGTATTGTTAGCAATTGGGATGACATGGAGAAGATATGGCATCACACTTT
CTACAATGAACTTCGTGTTGCTCCGGAGGAACACCCTGTTCTTCTTACTGAAGCTCCTTTNTCCAGAA
GAGCATCCTGTTCTTCTTACTGAAGCTCCTTTGAACCCTAAGGCCAATCGTGAGAAAATGACTCAAAT
CATGTTTGAGACGTTTAATGCTCCCGCTATGTATGTTGCCATCCAAGCTGTTCTTCCCTGTATGCTA
GTGGTCAACAACCTGGTATTGTCTTGGACTCAGGAGACGGTGTGAGCCACACTGTTCCAATCTACGAG
GGTTATGCACTCCCACACGCCATCCTCCGTCTAGACCTGGCCGGACGTGACCTGACTGACGCCCTGAT
GAAGATCCTAACTGAGCGCGGCTACTCTTTCACCACATCAGCTGAACGGGAAAATTGTCCGAGACATGA
AAGAAAAGCTAGCCTACATAGCCCTTGACTATGAGCAAGAGCTGGAGACCTCCAAAACCAGCTCTGCT
GTGGAGAAAAGTTATGAGCTGCCCCGACGTCAGGTCATTACCATCGGAGCAGAGCGTTCCGCTGCC
AGAGGTGCTTTTTCCAGCCGTCCATGATCGG**AATGGAAGCTGCTGGTATCCA**TGAGACTACATACAACT
CCATCATGAAGTGTGACGTGGATATTAGGAAGGATCTTTATGGAAACATTGTGCTTAGTGGTGGTACA
ACTATGTTCCAGGGATTGCTGACAGGATGAGTAAAGAGATAACTGCTTTGGCCCCAAGTA**GCATGAA**
GATTAAGGTTGTAGCCCCACCTGAGAGGAAGTATAGTGTCTGGATCGGTGGGTCCATCCTCGCGTCAC
TCAGCACCTTCCAGCAGA

>ACTIN_bidentis

ATTCCCATTTTCAAACCCCTCAAAGATCCAGACACACCTCAACTCAGCCCTACGCTTCATCTCTCCG
GCATCGGCTTTTGTCTCCGGTGAATCCTCATCGTCATCTGTTTCAGATCTAGTTCTAGCAACGTTTATAT
AAAATGGCCGATACCGAGGATATCCAGCCCCCTGTTTTCGACAATGGAACCTGGAAATGGTGAAGGCTGG
GTTTGTGGTGTGATGATGCTCCAAGGGCAGTCTTTCCAAGTATTGTTGGTAGACCAAGACACACTGGTG
TTATGGTAGGTATGGGCCAGAAAAGATGCCATATGTCCGAGATGAAGCCCAATCAAAAAGAGGTATCCTT
ACTTTGAAGTATCCTATTGAACACGGTATTGTGAGCAACTGGGATGACATGGAAAAGATCTGGCATCA
CACTTTCTACAACGAGCTTCGTGTCGCTCCTGAAGAGCATCCTGTTCTTCTTACTGAGGCACCTTTAA
ATCCTAAGGCCAATAGAGAAAAGATGACACAGATCATGTTTCGAAACCTTCAATGTTCCCTGCCATGTAT
GTCGCCATCCAGGCCGTGCTTTCTCTTTATGCCAGTGGTTCGTACAACAGGTATTGTGCTGGATTCTGG
AGATGGTGTGTACATACAGTTCCAATCTATGAAGTTATGCGCTTCCTCATGCCATCCTTCGTCTTG
ATCTTGCTGGTGTGACCTTACGGATTCCCTGATGAAAATCTTGACCGAGAGAGGTTACATGTTCCACC
ACCACCGCCGAACGGGAAAATTGTCCGTGACATGAAAGAAAAGCTTGCATATGTCGCCCTAGACTACGA
GCAAGAGCTTGAACCTGCTAAAAGCAGTTCTTCTGTTGAGAAGAAGTATGAATTGCCCGATGGACAAG
TTATACAATCGGTGCAGAAAAGATTCCGTTGCCCTGAGGTCCTCTTCCAGCCATCTTTGATCGG**AATG**
GAAGCTGCTGGTATTCACGAGACCACCTACAACCTCAATCATGAAGTGTGATGTTGATATCAGGAAGGA
CCTTTATGGTAACATTGTGCTCAGTGGTGGTTCAACCATGTTCCCTGGTATCGCTGACAGGATGAGCA
AGGAAATTACCGCCCTTGCCCCAGCA**GCATGAAGATCAAGGTGGTTCG**CACCCCTGAGAGAAAATAC
AGTGTCTGGATCGGAGGATCTATCCTTGCATCTCTCAGCACCTTCCAACAGATGTGGATTTCCAAGGG
TGAATATGATGAGTCCGGCCATCCATTGTCCACAGGAAGTGTCTTCTAAGTATTGGTTTTCTTGGTTTT
TGAAGGTTGAGTCTATTTGGTTTTTTGGTTTTCTATTGCCCTTTTTATTTTTCTGTGTTATGTTTCATGT
AAGAGTTGCAGACGTTGGGATACATAGGACGGGGAAAACCGAGGGGATAAACACCATGTTTGTCTCT
AATCCAACCTCTGCTCCATTTGTGATCGAATTGCTGCTAGATATGTTTGTAGTGGAGAGTGGTTGTG
AAGAAGTCTTATTATGAATTCAAACCTCTGTTTCATCTGTTTGGCAATAATTATGTCAATGTCTTGT
GTACCAGAAAGTATGTTAGACTCAGTTTGTGGTCATTTTTATTATCATATATAAGGATTTTATTATT
GCTGCTGTCTGGC

>GGCT2;1_pringlei

ACCTTCTGTTTCTCCTCCGATTTCATCTGACGATCGATCTCATTTCTCTCAATCTCAAACCTCGTCAGA
TTTGATCTAGCGCCGTGCACATTACACTTCGCTCTTTGATTTCGTCTTGTAGTTTGTGCAGAGTTGCAA
ATCATGGTTTTCTGGGTGTTTGGGTATGGCTCATTTGGTTTGGAAACCTGGGTTTGAGTACGATGAGAA
AATGATAGGGTACATCAAGAATTACCGCCGTGTGTTTGTATCTTGCATGTATTGATCATAGAGGTACGC
CTGAGGAGCCTGCAAGGACGTGCACACTTGAATACAAGGAAGGAGCCATCTGTTGGGGTGTGTGTAT
TGTGTAAGAGGAGGTGAAGAGAGGGAAAAATTGGCAATGGCGTACTTAGAGAACAGAGAATGTGAGTA
CGNTGTAGACTTTTTCAAGGACGGGGAGACTGACGAGCCTACTCTATCAGGAGTTATAGTATTCACAT
CAACTCCAGACAAGGAATCAAATAAGTACTACCTCGGGCCGTCACCTTTGGAGGATATGGCAAGACAA
ATAGCTACTGCTTTTGGCCCCGTGTGGAAACAACCGAGACTATGTAATTCTCGCTGGAGAAGGCAATGTT
TGATATTGGTCATGAAGATGACATGGTGATAGAGTTGGCAAATGAAGTCAGAAAAGTACTCGGAATCA
CAGGTCTAGGAGTCCCCGAAAGAGAACAGCAGCAGCAGATTAACCTGGGCCGTTGCTTAAGCCCAAGTCC
CCCATGTGCTGCTGTAACCTGCTTACCTTCCGGAAGCAATTTCCATGGACCTAAGACCACAAGAACA
CAATCATGACTTGGTTGCTTAACTCTACTGAACCCGCTGGCAATAACATGACACGTTGAGCTCAAGCA
CTTCCCTTTTTAGTCTGTAAACCGAGCCTTTGAACCGGGTTCATTACCTGTGTTAGTCTTAGTACTTT
CTATTATCGTAGGCTGTAGAGTCCGGATG

>GGCT2;1_bidentis

CAGAGAATGTGAGTACGATCAGAAGGCCACTGTAGACTTTTTCAAGGACGGGGAGACTGACAAGCCTA
CTCTATCAGGAGTTATAGTATTCACATCAACTCCAGACAAGGAATCAAATAAGTACTACCTCGGGCCCT
GCGCCTTTGGAGGATATGGCAAGACAAATAGCTACTGCTTTTGGCCCTTGTGGAAACAACCGAGACTA
TGTAATTCTCGCTGGAGAAGGCAATGTTTGATATTGGTCATGAAGATGACATGGTGATAGAGTTGGCAG
ATGAAGTCAGAAAAGTTCTTGGAAATCACAGGTCTAGGAATTCGAAAGAGAACAGCACCAGCACCAGC
ACCAGCAGATTAACCTGGGCCGTTGCTTAAGCCCAAGTCCCCCATGTGCTCGTAAACTACTTACCT
TCCGGAAGCAATTTCCATGGACCTAAGACCACAAGAACACAATCATGACTTGGTTGCTTAACTCTACT
GAACCCGTTGGCAATAGCATGACACGTAGAGCTCAAGTACTTCCCTTTTTAGTCTGTAAACAGAGCCT
TTGAACCGGGTTCATTACCTATGTTAGTCTTAACTTTCTTTTTATTGTAGGCTGTAGGGTCCGGATGA
TTATATTTCAAGTATAAAGTTATAATGAGCACAC >SULTR2.1_ROBUSTA
CTTTACACAAATTCTAATATCACATATCCACCCATGTTCTATAGTAACCTAATACAGAAGGTTACAT
CTCCTAGTTCAATGAATGTAGACATCTTTTGTACCATATTCATCTGCCACTGTTGAAAAGACATTCA
AATTAATGAGTGAAGCACTGTTTCATGAGCACTAACCTTGTAGTGGGCTTTAGTGTTTTACTCCATT
GTAATGATCCTATTTGTGAAACCTTATAAGTTTCCAGGCAAATCTTTGTTATAAAGATTGAAAGGAAACA
ACATAAATGTAGGTTGTGTCCTTTAGTATCCTCTAGCTGGCTGATTTTCAAGATTATATCCATCCTT
TAAAAGCTGCATGTTTTGTTCTTTTAAATGATTTGAGCGATTTAAGTCGATCTCACGCGTGGGTTTCT
CCAAACACTTCAAGGAAAGATAAGCATGGCTGCATCACTACCAACTGATGCTTCTGCTGCTTCTGCTC
ATGCCTTTAATGTTGAGAGGCATGATCAGCTGCAGCTTTGTCCAGAGGTCGGTAAGCGGATCACTGAA
CGAACCAAATGGGTTCTTGATTCGCCAGAGCCTCCTGGTTTTCCACCAGGAGATTCTTGGTGCTATCAA
GAACGTCGTTTGTCTCAGGAAAACAAGAAACAGAAAACGCCACAACCTCCATTCGCGTGGGTTGTGG
CATTTCTGCGTTCTGTATTCCCATACTAGGTTGGGCTAGGGATTACAAGGCTACCATGTTCAAGGAT
GACTTGCTTTTCAAGGCTAACCTTGCTAGCTTATCCATACCCCAGAGTATTGGGTATGCTGCTTTAGC
CCAACCTGATCCTCAATATGGCTTATACACTAGTGTGTCCCTCCTTTGATATACACAGCAATGGGGA
CATCACGAGAGTTAGCCATCGGTCCGGTTGCTGTGGTTTTCACTGCTGATATCCTCCATGGTCACAAA
ATAGTAAATCCTGTTGTTGATCCCATACTACACTAAGCTTGTGTTCACTGTCACCTTCTTCACGGG
TGCAATCCAAGCTCTTTTTCGGATTGTTTCCAGGCTGGGTTTTCTCGTTCGATTTTCTGTCGCAAGCGCCA
TAGTGGGGTTCATGGCAGGTGCAGCCATTGTTATAGGTCTCCAACAGCTCAAAGGTTTGTGTTGCCATA
AGCCATTTACCACAAAAACTGATATTTGTTTCTGTGCTGATTGCTGTTGCAAAAATCATTCCGCACCTC
ATGGGACCCTCAGAATTTTATCCTTGGATGCTCATTCTTATCTTCAATCAGGAGACATGTTG
GGAAAAAGAACAAAAAGTTATTCTGGTTACCAGCAATCGCTCCGCTAGTATCAGTAATTTCTCTCAACC
GCAATAGTCTACTTTACTAGAGCTGATGAACATGGAGTTAAGATAATCAAACAAGTCAAAGGAGGATT
GAACCAAGTTCAATTAACAGTTGCAGTTCAACAGTCCACACCTCAAAGAATCTGCCAAAATCGGGC
TCATTTGTGCTGTATCGCTCTAACGGAAGCTGTTGCAGTTGGCAGGCTTTTGTCTACAATTAAGGGG
TATAATATGGATGGGAATAAAGAAATGATAGCTATTGGAGTTATGAACATGTTGGATCCATGACTTC
TTGTTATGTTTCCACAGGTTCAATTTCCGCACTGCTGTAAACTTTGCTGCTGGCTGTAAAAGCGCGG
TGTCTAACGTAGTCACTGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGATGAT
ACTCCTGTTGCTATACTATCCTCGATTATCATATCTGCCTCCCCGGATTAAATCAACTATGAAGAAGC
TTATAATATTTGGAAAGTTGATAAATCGACTTCTTGGCTTGTGCTGGAGCTTCTTTGGTGTGTTAT
TTGCTTCGGTAGAGATTGGACTTATGATTGCAGTTGTTATTTTCAATTTGCAAAAATAATTCTCAACGCG

TTACATCCGCGTGTGCAAGAACTAGGGAAGCTTCCAGGAACAGATATCTTTTGTGAAGTTGATCAGTA
TCCTCTAGCAGAAAGGGTTCCAGGCGTATTAATAATGCGATTAAATTCTGGCTTGCTTTGCTTTACAA
ATGCAAATCCCCTAAGAGATAGGATATTGAAGTGGGTAGCTGAAGAGAATGGAAAAGAAGATGTAAAA
AGACTGATCAACGGAATAATCCTCGACATGTCTAGTGTACCAACATTGATTTTCGCGGGAATTCTAGC
CCTGGAAGAACTAACAAGAAGTTGCTTTCAGGAGGCATCAAATTAGCTATCGCGAGTCCAAGATGGC
AAGTGATTCAACAAGCTAAAATTGGCAAAGTTCGTAGATGTAGTCGGAAGGGACTGCATCTTCCTCACT
GTTTCTGAAGCCGTTGATTTCGTTTGTGGTTCCAAGTTCACAGATTCTGCATTTGTTGATCGACGCT
TGTGTCCATGGCTTCTAATGAATGAGGTTGATCCCTAAACCTTTTGGTTAATTAGAAGCTAAACTCAT
CTAATAAGCCGTATGATCAAGAAGGTCTCCAATTATGTATAATATGATAGTTTGTGTTGCTGGCTTG
CTGTTTGTAGTGAATAAATAAAAAACAAAACAAATGGGTATCTTAAAGAGCCCCCTATTGTTCTTGGTCAT
CTTGAACCAGGTGCCTTGTATTTCCCTTGGTGTGCAGCATATATATATATATATATATATATAAAT
ATTTATTATACAAAATGTGATGCAA

>GSH1_Pringlei

CTTGCTTCTGGCTGCAAGCCTAAGGAAAAATGGAGAATAGGAACTGAACATGAAAAATTCGGTTTTGA
TCTTAAACATTGCGTCTATGACATATGAACAAATTGCTCATCTGCTGAATGCTATTTCTGAGAGAT
TTGGTTGGGATAAAAATCATGGAAGCGACAATATAATTGGACTTCAACAGGGAAAAACAAAATATATCT
CTGGAACCTGGTGGTCAGTTTGGCTTAGTGGTGCCTCTTGAAACTCTTCATCAAACCTTGTGCAGA
AGTTAATTCACACCTTTACCAGGTTAAAGCTGTTGCTGAAGAGATGGGAATTGGGTTTATAGGAATTG
GTTTTAGCCAAAATGGGAACGGAAAAGATATCCCTGTGATGCCAAGGGAAAGATACGAGATTATGAGA
AATTACATGCCTAAAGTTGGTTCTCTTGGACTTGACATGATGTTTCCAGGACACATGATGTTTCCAGGACAT
GACTGTTTCCAGGTTAACTTGGACTTCTCTTCTGAAGCTGACATGATAAGAAAAATTCGCGCTGGTCTTG
CTTTACAACCTATTGCCACAGCACTATTGCTAATTCACCATTTACAGACGGAAAAGCCGAATGGTTAT
CTCAGCATGAGGAGCCAAATATGGACAGACACCGATAATAATCGTGCCGGGATGCTTCCCTTTTGTCTT
CAATGATTCTTTTGGATTTGAGCAATATGTTGAATATGCCCTCGATGTCCCTATGTATTTTGTGTATC
GGAAGAAAAAGTATATCGACTGTACTGGGTTGCTCTTCCAGGGACTTCCCTTGCGGGAAAACTCCCTCCA
ATTCCTGGAGAATATCCAATCAATGATTGGGAGAATCACCTAACAAATATTCCTCCGAGGTAAG
ACTTAAACGATATTTGGAAATGAGGGGTGCTGATGGAGGACCATGGAGGAGTTATGTGCATTACCTG
CTCTTTGGGTGGGCTTATTGTATGATGATATTTCTCTGCAAAATGTTTTGGACATGACAAGTGATTGG
ACTCCACAAGAAAGACAGATGTTGAGAAATAAGGTGCCTGTGACTGGTCTGAAAACCCCATTCCTGTA
TGGATTGCTGAAACATGTTGCTGAAGAAGTTTTGAAGTTTGCAAAGGATGGCCTGGAGAGAAGAGGAT
ATAAAGAAACAGGGTTTTTAAATGAAGTAGCAGAGGTGGTCAGAACAGGTTTAAACACCAGCAGAGAGG
CTTCTGGAATTGTACCATGGAATAATGGGACAAAATGTGGACCCCGTATTTCGAGGAACTACTCTACTG
A

>GSH1_Bidentis

TGCAAGCCTAAGGAAAAATGGAGAATAGGAACTGAACATGAAAAATTCGGTTTTGATCTTAAACATC
GCGTCTATGACTTATGAACAAATTGCTCATCTGCTAAATGCTATCTCTGAGAGATTCGGTTGGGATA
AAATCATGGAAGCGACAATGTAATTGGACTTCAACAGGGAAAAACAAAGTATATCTCTGGAACCTGGT
GGTCAGTTTGGCTTAGTGGTGCCTCTCTTGAAACTCTACATCAAACCTTGTGCCGAAGTTAATTCACA
CCTTTACCAGGTTAAAGCTGTTGCTGAAGAGATGGGAATTGGGTTTATAGGAATTGGTTTTAGCCAA
AATGGGAACGAAAAGATATCCCTGTAATGCCAAGGGAAGATATGAGATTATGAGGAATTACATGCCT
AAAGTTGGTTCTCTTGGACTTGACATGATGTTTCCAGGACATGCACTGTTTCCAGGTTAATTTGGACTTCTC
TTCTGAAGCTGACATGATAAGAAAAATTCCTGCTGGTCTTGGCTTTACAACCTATTGCCACAGCATTAT
TTGCTAATTCACCATTTACAGACGGAAAAGCCGAATGGTTATCTCAGCATGAGGAGCCAAATATGGACA
GACACCGATAATAATCGTGCCGGGATGCTTCCCTTTTGTCTTTGATGATTCTTTTGGATTTGAGCAATA
TGTTGAATATGCCCTCGATGTCCCTATGTATTTTGTATATCGGAAGAAAAAGTATATCGACTGTACTG
GGTTGCTCTTCCAGGGACTTCCCTTGCGGGAAAACTCCCTCCAATTCAGGAGAATATCCAATCAAT
GATTGGGAGAATCACCTAACAAATATTTCCCGAGGTGAGACTTAAAAAGATATTTGGAAATGAGGGG
TGCTGATGGAGGACCATGGAGGAGTTATGTGCATTGCCTGCTCTTTGGGTGGGATTTATTGTATGATG
ATATTTCTCTGCAAAATGTTTTGGACATGACAAGTGATTGGACTCCACAAGAAAGACAGATGTTGAGA
AATAAGGTGCCTGTGACTGGTCTGAAAACCCCATTCCTGATGGATTGCTGAAACATGTTGCTGAAGA
AGTTTTGAGGTTTGCAAAG

>PSP_Pringlei

ATGGAAGGGTTGATCAGTTCACGAATAATTCCTCTTCGTGGTTACAGTAGTCAGGGAAACACACGCCT

CTTTCCAACACATACATCAAACAGAAGAAGAGTGTTTTATGGTCCAATCAAGATGATGGCACCTTCCA
ACTCATCCAACCTCAAAAGCTGGTTCCTGTTAAGCCATTAACAGCTTCTCATTAGGCCAATTAGACAAC
ACAATACCTTCAAAAGAGGTTCTTGATTTATGGCAAAAAGCTGATGCTGTATGCTTTGATGTGGATAG
CACCGTGTGTGGATGAAGGCATTGATGAACTTGCTGAATTTTGTGGAGCTGGAAAAGCTGTTGCTG
AGTGGACCGCCAGAGCAATGGGTGGCTCAGTCCCTTTTGGGAAGCATTAGCTGCGAGACTTGATCTT
TTCAAACCTTCATTATCAACGGTCAAGACTTCCCTGAAAAGAGGCCCCCAAACTATCTCCTGGCAT
ATTGGAATTGGTTCAGAAGCTCAAGGAAAGTGGTAAAAGCTGTTTATCTGATATCTGGAGGTTTTCGTC
AAATGATCAATCCGGTTCATCAATCTTGGGATACCAACTGGAAATATATTTGCTAATCAACTGTTA
TTCGATAATTCTGGCGAGTTTGTGGATTTGATGCAAATGAACCAACTTCAAGAAGTGGAGGAAAACC
AGCTGCAGTGGAACTAATAAGAAAGGCTCATGGATAACAAGACAGTAGTAATGATAGGTGATGGTGCCA
CTGATCTCGAGGCTCGAAAACCAGGCTGTGC TGACCTGTTTTATCTGCTATGGTGGGGTCCAACCTTCGG
GAGGCCGTTTTCTGCAAAAGCCGATTGGCTAGTGTTTAACTTCAAAGACCTGATAAACTCTTTGGAATA
G

>PSP_bidentis

CAACCAGATCGCCGGTGGTGGTGAGATCCACAAAGAACCATCAAATTCCCAATCAATATATATAT
ATAAACATTGAATGAATTGCAAAGCCACTGAGATGACTATGGCACTGTTTTAATAGCATTTCGATCGAA
TGAGATTTCGATTTATGCAGTAAAAGCAATCTCGGTGCTCTATTAAGCCTCTTCTTTTATCCTCAGC
AGAATTCAGAAGCTCAAAGCTCGTGTGTTGTTGTCGAATTCGTAGCTTTCCAACGATTCTTCAGCAGAT
TGCCCTCACTGAAACATCTTTAACTATTCCAGTAAATTTGATGGAAGGGTTGACCAGTTCACGAATAA
TTCCTCTTCGCGCTTACAGTAGTCAGGGAAACACACGCCTCTTTCCAACACATACATCAAACAGAAGA
AGAGTCTTTTATGGTCCAATCAAGATGATGGCACCTACCAACTCATCCAACCTCAAAAGCTGGTTCGT
TAAGCCATTAACAGCCTCCTCATTAGGCCAATTAGACAACACAATACCTTCAAAAGAGGTTCTTGATT
TATGGCAAAAAGCTGATGCTGTATGCTTTGATGTGGATAGCACCGTGTGTGGATGAAGGCATTGAT
GAGCTTGCTGAATTTTGTGGAGCTGGAAAAGCTGTTGCTGAGTGGACCGCCAGAGCAATGGGTGGCTC
AGTCCCTTTTGGGAAGCATTAGCTGCGAGACTTGATCTTTTCAAACCTTCATTATCAACGGTTCAG
ACTTCTTGAAGAGACCCCAAACTATCTCCTGGCATATTGGAATTGGTTCAGAAGCTCAAGGAA
AGTGGTAAGACTGTTTATCTGATATCTGGAGTTTTTCGACAAATGATCAATCCGGTTCATCAATCT
TGGCATACCAACCTGAAAATATATTTGCCAATCAACTGTTATTTCGATAATTCTGGCGAGTTTGTGGAT
TTGATGCAAATGAACCAACTTCAAGAAGTGGAGGAAAACCAGCTGCAGTGGAACTAATAAGAAAGGCT
CATGGATAACAAGACAGTAGTAATGATAGGTGATGGTGCCACTGATCTCGAGGCTCGAAAACCAGGCTG
TGC TGACCTGTTTTATCTGCTATGGTGGGGTCCAACCTTCGGGAGGCTGTTTCTGCAAAAGCCGATTGGC
TAGTGTTTAACTTCAAAGACCTGATTAGCTCTTTGGAATAGCAAGCACTTCTCTTATCAATTTGGAA
GGATTGTTTCATGAGTGTGTTACAAAATGTTAATGTACAACATATTGTTCAATCACTGCAAAACTATCT
GCAAATTTTTGGAGCAT

>SULTR2;1_pringlei

TTTGAGTGATTTAAGTCGATCTCACACGTGGGTTTTCTCAAACACTTCAAGGAAACATAAGCATGGCC
GCATCACTACCAACCGATGCTGCAGCTGCTTCTGATCATGCCTTTAATGTTGAGAGGCATGATCAGCT
GCAGCTTTGTCCAGAGGTCCGTAAGCGGATCACTGAACGAACCAAATGGGTTCTTGATTGCCAGAGC
CTCCTGGTTTTACCAGGAGATTCTTGGCGCTATCAAGAATGCTGTTTGTCTCAAGAAAACAAGAAA
CACAAAACGTCAACCTCCATTTCGCGTGGGTTGTGGCATTCTGCGTTCGTATTCCCGATACTAGG
TTGGGCTAGGGATTACAAGGCCTCCATGTTTAAAGGATGATTTGCTTTTCAAGGTTAACCTTGCTAGCT
TATCCATACCCAGAGTATTGGGTATGCTGCTTTAGCCCAACTTGATCCTCAGTATGGCCTATACACT
AGTGTGTGCCACCTTTGATCTACACAACAATGGGGACTTCACGAGAGTTAGCCATCGGTCCGGTTGC
TGTGGTTTCACTGCTGATATCCTCCATGGTCAACAAAATAGTAAATCCTGTTGTTGATCCCATATACT
ACACTAAGCTTGTGTTCACTGTCACCTTCTTACGGGTGCATTCCAAGCTCTTTTCGGATTATTCAGG
CTGGGTTTTCTCGTCGATTTTCTGTCGCAAGCGGCTATAGTGGGGTTCATGGCAGGTGCAGCCATTGT
TATAGGTCTCAAACAGCTCAAAGGTTTGTGCTTGCATAAGCCATTTCAACAACAAAACCTGATGTTGTTT
CTGTGCTGATTGCTGTTGCAAAATCATTCCGCACTTCATGGGACCCCAAGAAATTCATCCTTGGATGT
TCATTTCTCATCTTCATCCTGATCACGAGACATATTGGGAAAAGAACAAGAAAGTTATCTGGTTACC
AGCAATCGCTCCGCTAGTATCAGTAATCTCTCAACCGCGATCGTCTACTTTACTAGAGCTGATGAAC
ATGGAGTTAAAATAATCAAACAAGTCAAAGGAGGGTTGAACCAAGTTCAATTAATCAGCTGCAGTTC
AACAGTCCACACCTCAAAGAATCAGCCAAAATCGGGCTCATTGCGCTGTCAATGCTCTAACGGAAGC
TGTGGCAGTTGGCAGGCTTTTGTACAATTAAGGGGTATAATATGGATGGCAATAAAGAAATGTTAG
CTATTGGAGTTATGAACATTGTTGGATCCATGACTTCTTGTCTATGTTTCCACAGGTTCAATTTTCGCGC

ACTGCTGTAAACTTTGCTGCTGGCTGTAAAAGCGCGGTGTCTAATGTAGTCATGGCCATCACGGTGCT
CTTAA TGCTACAATTTCTAACGGGGCTAT TGACTACACTCCTGTTGCTATACTATCCTCGATTATCA
TATCTGCGCTCCCCGGATTAATCAACTATGA AGAAGCTTATAATATATGGAAAAGTTGACAAAATCGAC
TTCTTGCTTGTGCTGGAGCTTTCTTTGGTGTGCTATTTGCTTCGGTAGAGATCGGTCTTATGATTGC
AGTTGTAATTTCAATTTGCAAAAATAATTCTCAACGCGCTACGTCCGCGTGTGCAAGAACTAGGGAAGC
TTCCGGGAACAGACATCTTTTGTGAAGTTGATCAGTATCCTCTAGCAGAAAAGGGTTCCAGGCGTATTA
ATAATGCGATTAAATTTCCGGCTTGCTTTGCTTTTACAAAACGCAAATCCCCTCAGAGATAGGATATTGAA
TTGGGTTGCTGAAGAGAATGGAAAAGAAGATGTAAAAAGACCGATCAACGGAATAATCCTCGACATGT
CTAGTGTACCAACATTGATTTGCGGGAATTCTAGCATTGGAAGAACTAACAAGAAGTTGCTTTCA
GGAGGCATCAAATTAGCTATCGCGAGTCCAAGATGGCAAGTGATTCAAAAGCTAAAAGTGGCAAAGTT
CGTGGATGTAGTCGGAAGGGACTGCATCTTCCCTAACTGTTTCTGAAGCCGTTGATTCGTTTGTGGTT
CCAAGTTCACAGGTCCCGGCATTTGTTGAGCAGCACTTGTATCGATCCATGGCTTCTAATGAATGAGG
TTG

>SULTR2.1_BIDENTIS

CACAAATTTCTAATATCACATATCCACCCATGTTCTATAGTAACAGAATACAGAAGCTTCACATCTCTT
GGTTCAATGAATGTAGACATCTTTTGGTACCATATTCATCTGCCACTGTTGAAAAAGACATTCAAATT
AACTGAGTGAAGCACTGTTTCATGAGCACTAACCTTATAGTGGGCTTTAATGTTTTACTCCATTGTAA
TGATCCTATTTGTGAAACCTCATAAGTTCAGGCAAACCTTTGTTATAAAAAGATTGAAAGGAAACAACA
TAAATGTAGGTTGTGTCTTTAGTATCCTCTAGCTGGCTGATTTTCAAGATTATATTCCATCCTTTAG
AAGCTGCATGTTTTGTTTTGTTAAATGATTTGAGCGATTTAAGTCGATCTAACGCGTGGGTTTTCTCCA
AACACTTCAAGGAAACATAAGCATGGCCGCATCACTACCGACCGATGCTTCAGCTGCTTCTGATCATG
CCTTTAATGTTGAGAGGCATGATCAACTGCAACTTTGTCCAGAGGTCCGCAAGCGGATCACTGAACGA
ACCAAATGGGTTCTTGATTGCGCAGAGCCTCCTGGTTTTCCACCAGGAGATTCTTGGCGCTATCAAGAA
CGTCTGTTTTGTTCTCAGGAAAAACAAGAACACAAAACGTCACAACCTCCATTGCGGTGGGTTGTGGCAT
TTCTGCGATCTGTATTCCCGATACTAGGTTGGGCTAGGGATTACAAGGCTTCCATGTTCAAGGATGAT
TTGCTTTCAGGGTTGACCCTTGCCAGCTTATCCATACCCCAGAGTATTGGGTATGCTGCTTTAGCCCA
ACTTGATCCTCAGTATGGCCTATACACTAGTGTGTCCCTCCTTTGATATACACAACAATGGGGACTT
CACGAGAGTTAGCCATTGGTCCGGTTGCTGTGGTTTTCACTGCTGATATCCTCCATGGTCACCAAGATA
GTAAATCCTGTTGTTGATCCTATATACTACACTAAGATTGTGTTCACTGTCACCTTCTTCACGGGTGC
ATTTCAAGCTCTTTTCCGATTGTTCAAGGCTGGGTTTTCTCGTCGATTTTCTGTGCAAGCGGCTATAG
TGGGGTTCATGGCAGGTGCAGCCATTGTTATAGGTCTCCAACAGCTCAAAGGTTTGCTTGCCATAAGC
CATTTCAACCACAAAACTGATGTTGTTTTCTGTGCTGATTGCTGTTGCAAAAATCATTTGCGACTTCATG
GGACCCTCAGAATTTTATCCTTGATGCTCATTTCTTATCTTCAATCACAAGACATATTGGGA
AAAAGAACA AAAAGTTATTCTGGTTACCGCAATCGCTCCGCTAGTATCAGTAATCTCTCAACCGCC
ATAGTCTACTTTACTAGAGCTGATCAACATGGAGTTAAAATAATCAAACAAGTCAAAGGAGGATTGAA
CCCAAGTTCAATTAACCAGTTGCAGTTC AACAGTCCACACCTAAAAGAATCTGCCAAAATCGGGCTCA
TTTTGTGCTGTATTGCTCTAACGGAAGCTGTGGCAGTTGGAAGGCTTTTTGCTACGATTAAGGGTTAT
AATATGGATGGGAACAAAGAAAATGATAGCTATTGGAGTTATGAACATTGTTGGATCCATGACTTCTTG
CTATGTTTTCCACAGGTTTCAATTTTACGCACTGCTGTAAACTTTGCTGCTGGCTGTAAAAGCGCGGTTT
CTAATGTAGTCATGGCCATCACGGTGCTCGTAA TGCTACAATTTCTAACGGGGCTAT TGACTACACT
CCTATTGCTATACTATCCTCGATTATCATATCTGCGCTCCCCGGATTAATCAACTATGA AGAAGCTTA
TAATATCTGGAAGTTGACAAAATCGACTTTTTGGCTTGTGCTGGAGCTTTCTTTGGTGTGTTATTTG
CTTCGGTGGAGGTTGGACTTATGATTGCAGTTGTTATTTCAATTTGCAAAAATAATCCTCAATGCGCTA
CGTCCGCGTGTGCAAGAACTAGGAAAGCTTCCGGGAACAGATATCTTTTGTGAAGTTGATCAGTATCC
TCTAGCAGAAAGGCTTCCAGGCGTATTAATAATGCGATTAATTTCCGGCTTGTCTTTGCTTTACAAATG
CAAATCCTCTCAGAGATAGGATATTGAACCTGGGTAGCTGAAGAGAATGGAAAAGAAGATGTAAAACGA
CCAGTCAACGGAATAATCCTTGACATGTCTAGTGTACCAACATTGATTTGCGGGAATTTCTAGCGCT
GGAAGAACTAACAAGAAGTTGCTTTTCAAGGAGCATCAAATTAGCTATCGCGAGTCCGAGATGGCAAG
TGATTCAAAAGCTAAAAGTGGCAAAAATTCGTGGATGTAGTCGGAAGGGACTGCATCTTCCCTCACTGTT
TCTGAAGCCGTTGATTGTTTTGTTGGATCCAAGTTCACAGTTTCTGGTATTTGTTGATCAACGCTTGT
ATGGCTTCTAATGAATGAGGTTGATCCCTAAACCTTTAATTTGAAGCTAAACTCATCTAATAAGCCG
TACGAGAATGGTCTTCAATTATGTATAAATGATAGTTTGTGTTGTCTGGCTTGTCTGTTTGTGAGTGAAT
AAATAAAAACAAAACAATGGGTATCTAAAAGAGCCCCCTATTGTTCTTGGTCATCTTGAACCAGGTGC
TTTGTATTTCCCTTGGTGTGCAGCATATATAAATCTTTATTATACAAAATATGATGCAAAGTGTTT
TGCCCTACTGTTTTGTATAATTTTCACTGGATTACATTTCTTTCAATTTGAGTGGTATAGATTAGATTATT

AATTGAACTCTAACAATAAATGAAGGAACCAGCCATGCTTGGATTTTAAATGTAATCAATCCAATTGA
ACTTAATCTTCCTGCTTCTATCTGAGATCTAAGTGGACAAAAATTGCTTGATATC